



Correction du DM Transcription / Traduction

1/	D	2/	D	3/	BC	4/	BD	5/	AD
6/	E	7/	ABCD	8/	AB				

QCM 1 : D

- A) Faux : Ils sont lus 3 par 3
- B) Faux : Il en existe 64
- C) Faux : C'est la grosse sous-unité
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 2 : D

- A) Faux : Ce sont les gènes non codants qui ne sont pas traduits
- B) Faux : C'est le brin non codant qui sert de matrice
- C) Faux : Il est bien non-ambigu mais la def qui suit correspond au fait qu'il soit non-chevauchant
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 3 : BC

- A) Faux : C'est la transcription ça attention
- B) Vrai
- C) Vrai
- D) Faux : Ils fixent les acides aminés aux ARNt
- E) Faux

QCM 4 : BD

- A) Faux : la définition correspond à la caractéristique non ambigu
- B) Vrai
- C) Faux : ils ne codent pour AUCUN acide aminé ++
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 5 : AD

- A) Vrai
- B) Faux : 1 tige et 3 boucles
- C) Faux : chaque aminoacyl ARNt synthétase est spécifique d'un seul et unique acide aminé
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 6 : E

- A) Faux : ARN polymérase
- B) Faux : Il commence en amont et termine en aval de la séquence codante
- C) Faux : AUG
- D) Faux : chez le eucaryotes, elle s'appelle Shine-Dalgarno chez les procaryotes
- E) Vrai

QCM 7 : ABCD

- A) Vrai
- B) Vrai : c'est grâce à la dégénérescence du code qu'on a plusieurs codon correspondant à 1 seul acide aminé et donc que les mutations n'entraîne pas de changement de l'acide aminé
- C) Vrai
- D) Vrai
- E) Faux

QCM : AB

- A) Vrai
- B) Vrai
- C) Faux : grosse sous-unité
- D) Faux : appariement flexible
- E) Faux