

1/	BC	2/	ACD	3/	ABD	4/	BCD	5/	ABC
6/	ABD	7/	ACD	8/	BC	9/	ABC	10/	ABD
11/	AD	12/	ABCD	13/		14/		15/	
16/		17/		18/		19/		20/	

QCM 1 : BC

- A) Faux : ENDOnucléases 😊
- B) Vrai +++
- C) Vrai
- D) Faux : 3 types
- E) Faux

QCM 2 : ACD

- A) Vrai
- B) Faux : elles coupent l'ADN sur un endroit spécifique
- C) Vrai +++
- D) Vrai +++
- E) Faux

QCM 3 : ABD

- A) Vrai +++
- B) Vrai
- C) Faux : elle reste la méthode de référence
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 4 : BCD

- A) FAUX : UNE SEULE amorce ++++
- B) Vrai
- C) Vrai +++
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 5 : ABC

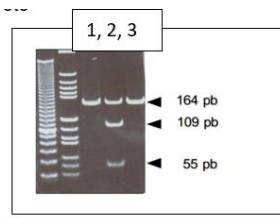
- A) Vrai
- B) Vrai
- C) Vrai
- D) FAUX +++ : cela nous donne que la séquence COMPLEMENTAIRE du brin ADN étudié
- E) Faux

QCM 6 : ABD

- A) Vrai
- B) Vrai
- C) Faux : +++ RECEPTEUR d'un facteur de croissance
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 7: ACD

- A) Vrai
- B) FAUX +++ : on ne peut pas faire un diagnostic sans séquençage
- C) Vrai



D) Vrai En regardant la piste 2 on remarque qu'il y a 3 marques : 164, 109, 55. Sachant que le fragment amplifié fait 164 paires de bases on a donc une coupe qui a été réalisée. Cette coupe signifie qu'il y a eu mutation sur un allèle. Cependant la marque qui fait 164 paires de bases montre que l'autre allèle n'a pas été coupé. On se retrouve donc avec un allèle muté et un autre sauvage.

Donc le patient 2 est hétérozygote

E) Faux

QCM 8: BC

A) Faux

B) Vrai

C) Vrai :

D) FAUX ++++ : L'EXON 1 N'EST PAS CODANT !!!

E) Faux

QCM 9: ABC

A) Vrai

B) Vrai

C) Vrai :

D) FAUX +++ : on ne réalise que 7 PCR car le 1^{er} exon n'est pas codant

E) Faux

QCM 10: ABD

A) Vrai

B) Vrai

C) Faux

D) Vrai

E) Faux

QCM 11: AD

A) Vrai ++

B) Faux : c'est une enzyme VIRALE

C) Faux : le brin d'ADN est complémentaire à la séquence ARN

D) Vrai

E) Faux

QCM 12: ABCD

A) Vrai ++

B) Vrai

C) Vrai

D) Vrai

E) Faux

