



Correction DM biomol n°1 : Traduction et Régulation de l'expression des gènes

1/	E	2/	BC	3/	CD	4/	AB	5/	D
6/	AD	7/	AB	8/	ABC	9/		10/	
11/		12/		13/		14/		15/	
16/		17/		18/		19/		20/	

QCM 1 :

- A) Faux : ARNm -> protéine
- B) Faux : Les gènes non codants sont seulement transcrits
- C) Faux : Le cytosol est à l'extérieur du noyau mais à l'intérieur de la cellule
- D) Faux : cf C
- E) Vrai

QCM 2 :

- A) Faux : $4^3=64$ codons
- B) Vrai
- C) Vrai
- D) Faux : Les codons stop ne codent pas pour un acide aminé mais pour un facteur de terminaison.+++
- E) Faux

QCM 3 :

- A) Faux : Seul 61 codons donnent un AA
- B) Faux : Le code génétique fonctionne avec 20 AA (la sélénocystéine est obtenue par les codons de la Sérine)
- C) Vrai
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 4 :

- A) Vrai
- B) Vrai
- C) Faux : Non ambigu et dégénéré sont inversés.
- D) Faux : cf C
- E) Faux

QCM 5 :

- A) Faux : Cadre de lecture ouvert ou ORF.
- B) Faux : Le codon initiateur (1^{er} codon) est AUG. La séquence Kozak est une séquence de nucléotides en amont d'AUG.
- C) Faux : L'irrespect pas le respect. C'est nul mais ce genre de pièges existent et pas qu'au tutorat.
- D) Vrai
- E) Faux

QCM 6 :

- A) Vrai
- B) Faux : 16 boîtes de 4 codons (parce qu'il existe 4 nucléotides.)
- C) Faux : L'importance d'un nucléotide varie selon sa position dans le codon. Une mutation du 3^{ième} nucléotide ou du 1^{er} est moins sévère qu'une mutation du 2nd.
- D) Vrai : l'insertion d'un seul nucléotide décale le cadre de lecture (non multiple de 3) et modifie donc tous les AA en aval
- E) Faux

QCM 7 :

- A) Vrai
- B) Vrai
- C) Faux, on obtient un ADN recombinant.
- D) Faux, après le codon initiateur pour être traduit.
- E) Faux

QCM 8 :

- A) Vrai
- B) Vrai
- C) Vrai
- D) Faux, ça peut être des anticorps aussi.
- E) Faux